

#25 La famiglia dei coronavirus e l'uomo

Jain A. COVID-19 and Lung Pathology Indian J Pathol Microbiol. 2020 Apr-Jun;63(2):171-172.

Fino ad oggi, sei specie di coronavirus sono note per causare malattie umane. Quattro delle specie di coronavirus già note, ovvero *229E*, *OC43*, *NL63* e *HKU1*, sono comunemente virus circolanti nella popolazione umana e causano lievi sintomi simili a quelli del raffreddore. Due dei ceppi già noti di coronavirus, sindrome respiratoria acuta grave-coronavirus (SARS-CoV) e sindrome respiratoria del Medio Oriente-CoV (MERS-CoV) e ora la recente SARS-CoV2 che causa l'attuale pandemia, sono di origine zoonotica e causano malattie gravi che possono essere fatali. I coronavirus sono molto diffusi e ampiamente distribuiti. Il loro genoma è ampio e subisce frequenti ricombinazioni, causando periodicamente la comparsa di nuovi coronavirus. A causa di frequenti infezioni tra specie e occasionali eventi di ricaduta, si verificano infezioni nell'uomo. I coronavirus come *SARS-CoV2*, *MERS-CoV* e *SARS-CoV* possono causare morbilità e mortalità significative nelle persone infette. Il polmone è il sito di infezione più comune per tutti e tre questi virus, che possono manifestarsi come sindrome da distress respiratorio acuto e mortalità. Il coinvolgimento polmonare è anche responsabile dell'alta trasmissione virale. Le osservazioni autoptiche sembrano confermare il dato che l'imaging toracico e i quadri istopatologici del polmone causati da SARS-COV2 sembrano essere simili a quelli osservati nei pazienti con infezione da SARS-CoV e MERS-CoV